

## DNS replikáció vizsgálata *C. elegans* modell rendszerben

### Burkovics Péter (SZBK - Genetikai Intézet)

Minden élőlény számára létfontosságú a genetikai információ pontos lemásolása. Mivel az emberben a hibásan átíródott DNS rákos elváltozás kialakulásához vezethet, ezért fontos megértenünk, hogy a replikáció alatt hogyan őrződik meg a genom integritása. A DNS másolása során számos körülmény lassíthatja a replikációs villa haladását. Ennek okai lehetnek a templát DNS szál különböző sérülései, illetve stabil másodlagos szerkezetei, amelyek a replikáció elakadásához vezethetnek. A *Caenorhabditis elegans* fonálféreg faj az 1970-es évek közepétől vált a genetikai analízis egyik közkedvelt genetikai modell rendszerévé, amikor is Sydney Brenner kiválasztotta fejlődésgenetikai problémák és az idegrendszer működésének tanulmányozására. Azóta teljes genomjának szekvenálása megtörtént, így ismert, hogy genetikai állománya nagyon kompakt, mindemellett génjei 70%-nak van humán ortológja. A laborunkban rendelkezésre álló mutánsok vizsgálatával lehetőségünk nyílik a DNS replikáció tanulmányozására, például a nehezen átíródó szekvenciák esetében.

Saját link [Egész oldal](#) Besorolás: [Genetikai\\_téma](#)

Hallgatók: **Biológia BSc, Biológia MSc, Biomérnök**

Maximális létszám: **1-2**

Feltételek/elvárások:

Felvételi elbeszélgetés alapján.

[n/a: No match]

Kapcsolat

Név: \*  E-mail cím: \*  Üzenet \*

Kérlek oldd meg az alábbi egyenletet, hogy bebizonyítsd, ember vagy.  $56 + 6 =$   Ezt a mezőt

kérlek hagyd üresen:

Küldés

[Genetikai téma](#)

From:

<https://www.bio.u-szeged.hu/> - BI

Permanent link:

<https://www.bio.u-szeged.hu/doku.php/hu:bint:oktatás:szakdolgozat:temak:2018-10-01-084650>

Last update: **2018/10/13 07:57**

